

育种遗传参数评估与全基因组选择交流会

育种工作中，专业的遗传评估能够提升育种值计算的准确性，大大提高育种效率。对于如何分析常规遗传参数，如何进行基因组选择，如何选择合适的软件以及合适的模型，是很多育种工作者亟待解决的问题，本次培训将针对这些问题，提供一套系统完整的解决方案。ASReml 软件作为国际知名的遗传评估软件，新版本 ASReml-R V4 和 ASReml-SA 更适合大数据的基因组选择分析，计算效率高，模型丰富，操作简单，在国际上获得广泛的应用和认可。

北京维斯恩思软件有限责任公司（VSNC）作为 ASReml 在华区唯一子公司，应广大院校、科研单位及企业科研工作者学习及交流需求，将于 2022 年 5 月 14-15 日举办第 15 期线上《育种遗传参数评估与全基因组选择交流会》。

一、培训日程

Day 1: 2022 年 5 月 14 日	
一、R 语言基础培训	<ul style="list-style-type: none"> ◆ R 语言基础 ◆ R 语言探索性分析和可视化
二、育种中常见模型分析（上）	<ul style="list-style-type: none"> ◆ 数量遗传学与混合线性模型 ◆ 如何半同胞全同胞模型 ◆ 如何分析动物模型 ◆ 如何计算遗传力及标准误 ◆ 如何计算 BLUP 育种值的准确性和可靠性
三、育种中常见模型分析（下）	<ul style="list-style-type: none"> ◆ 重复力模型分析 ◆ 窝别效应模型分析 ◆ 母体效应模型分析 ◆ 如何固定方差组分拟合模型 ◆ 阈值性状模型分析
Day 2: 2022 年 5 月 15 日	
四、多性状模型分析	<ul style="list-style-type: none"> ◆ 连续和连续性性状模型分析 ◆ 阈值和连续性性状模型分析 ◆ 计算遗传相关和表型相关 ◆ 设置不同性状对应不同固定因子的多性状模型 ◆ 根据性状权重，计算综合育种值
	<ul style="list-style-type: none"> ◆ 全基因组选择介绍 ◆ 如何构建 A 矩阵，G 矩阵及 H 矩阵

五、全基因组选择 (GS)	<ul style="list-style-type: none"> ◆ 对基因型数据可视化: PCA 和热图 ◆ 如何分析单性状 GBLUP 和 ssGBLUP 的基因组选择 ◆ 如何分析多性状的 GBLUP 和 ssGBLUP 分析 ◆ 如何进行交叉验证
ASReml SA 4.2 版本新功能演示	演示和答疑

二、培训报名 (包含 2 天实战培训+ 1 年的视频课程回放+技术支持)

报名费用	A、老客户培训	B、培训+3个月软件授权
高校	1600元/人	3200元/人
科研单位		

- 注:**
- 1、3人团报免一人费用;
 - 2、4月30日前完成报名, 享200元优惠;
 - 3、转发朋友圈集赞满66个, 享200元优惠;
 - 4、以上优惠不同享

三、报名方式

报名方式一	报名方式二
微信报名 (扫一扫)	官网报名
	网址 (CHN): www.vsnc.com.cn

1、银行转账:

开户名: 北京维斯恩思软件有限责任公司

开户行: 中国建设银行北京中关村分行

帐号: 1100 1007 3000 5301 7767

附言: 汇款时请务必注明 单位+姓名+培训费 (例如: 中国农业大学张三培训费)

2、支持公务卡付款 (详情咨询会务人员)

四、联系方式

Nancy 邓老师 (15611308826), Meggi 孙老师 (18201280067)

公司电话: 010-88400822 ; 010-62680244

邮箱: China@vsni.co.uk

网址 (CHN): www.vsnc.com.cn

北京维斯恩思软件有限责任公司

2022年3月28日

